



SEQUENCE LISTING

<110> Hood, Leroy E.  
Ideker, Trey E.

<120> Multiparameter Integration Methods For  
The Analysis of Biological Networks

<130> 66661-036 (IS4988)

<140> US 09/993,312

<141> 2001-11-13

<150> US 60/248,257

<151> 2000-11-14

<150> US 60/266,038

<151> 2001-02-02

<160> 33

<170> FastSEQ for Windows Version 4.0

<210> 1

<211> 23

<212> DNA

<213> Saccharomyces Cerevisiae

<400> 1

gtacggatta gaagccgccc agc

23

<210> 2

<211> 23

<212> DNA

<213> Saccharomyces Cerevisiae

<400> 2

gagcgggcca cagccctccg acg

23

<210> 3

<211> 23

<212> DNA

<213> Saccharomyces Cerevisiae

<400> 3

cgacggaaga ctctcctccg tgc

23

<210> 4

<211> 23

<212> DNA

<213> Saccharomyces Cerevisiae

<400> 4  
cctcgcgccg cactgctccg aac 23

<210> 5  
<211> 23  
<212> DNA  
<213> Saccharomyces Cerevisiae

<400> 5  
cgacggaaga ctctcctccg tgc 23

<210> 6  
<211> 23  
<212> DNA  
<213> Saccharomyces Cerevisiae

<400> 6  
gagcgggcca cagccctccg acg 23

<210> 7  
<211> 23  
<212> DNA  
<213> Saccharomyces Cerevisiae

<400> 7  
gtacggatta gaagccgccg agc 23

<210> 8  
<211> 23  
<212> DNA  
<213> Saccharomyces Cerevisiae

<400> 8  
cttcgctcaa cagtgtccg aag 23

<210> 9  
<211> 23  
<212> DNA  
<213> Saccharomyces Cerevisiae

<400> 9  
tcacgggtcaa cagttgtccg agc 23

<210> 10  
<211> 23  
<212> DNA  
<213> Saccharomyces Cerevisiae

<400> 10  
caactgttga ccgtgatccg aag 23

<210> 11

<211> 23  
<212> DNA  
<213> Saccharomyces Cerevisiae

<400> 11  
ccccggaata gtctgccccg att 23

<210> 12  
<211> 23  
<212> DNA  
<213> Saccharomyces Cerevisiae

<400> 12  
gatcgggtgca atatactccg agc 23

<210> 13  
<211> 23  
<212> DNA  
<213> Saccharomyces Cerevisiae

<400> 13  
ttccggaagg aagctttccg aat 23

<210> 14  
<211> 23  
<212> DNA  
<213> Saccharomyces Cerevisiae

<400> 14  
caccggcggt ctttcgtccg tgc 23

<210> 15  
<211> 23  
<212> DNA  
<213> Saccharomyces Cerevisiae

<400> 15  
gaacggcgca gatattccg cac 23

<210> 16  
<211> 23  
<212> DNA  
<213> Saccharomyces Cerevisiae

<400> 16  
tatcggggcg gatcactccg aac 23

<210> 17  
<211> 23  
<212> DNA  
<213> Saccharomyces Cerevisiae

<400> 17

gggcggatca ctccgaaccg aga 23

<210> 18  
<211> 23  
<212> DNA  
<213> Saccharomyces Cerevisiae

<400> 18  
ccccggacgg cagccgcccg tcc 23

<210> 19  
<211> 23  
<212> DNA  
<213> Saccharomyces Cerevisiae

<400> 19  
caacggcatg cagcgagccg tag 23

<210> 20  
<211> 23  
<212> DNA  
<213> Saccharomyces Cerevisiae

<400> 20  
tcacggtcac cactgctccg aca 23

<210> 21  
<211> 23  
<212> DNA  
<213> Saccharomyces Cerevisiae

<400> 21  
gttcggcaca cagtggaccg aac 23

<210> 22  
<211> 23  
<212> DNA  
<213> Saccharomyces Cerevisiae

<400> 22  
taccggcgca ctctcgcccg aac 23

<210> 23  
<211> 23  
<212> DNA  
<213> Saccharomyces Cerevisiae

<400> 23  
cgtcggacag caaccccccg att 23

<210> 24  
<211> 23  
<212> DNA

<213> Saccharomyces Cerevisiae

<400> 24  
gtccggtccg tccttgaccg aag 23

<210> 25

<211> 23

<212> DNA

<213> Saccharomyces Cerevisiae

<400> 25  
gaccggacac ctaatcaccg acg 23

<210> 26

<211> 23

<212> DNA

<213> Saccharomyces Cerevisiae

<400> 26  
cttcgccta atatagtccg aaa 23

<210> 27

<211> 23

<212> DNA

<213> Saccharomyces Cerevisiae

<400> 27  
cgacggggaa ttgaaccccg atc 23

<210> 28

<211> 23

<212> DNA

<213> Saccharomyces Cerevisiae

<400> 28  
gagcggctcc cctttccccc gaa 23

<210> 29

<211> 23

<212> DNA

<213> Saccharomyces Cerevisiae

<400> 29  
catcggacga ctttgctccc agg 23

<210> 30

<211> 23

<212> DNA

<213> Saccharomyces Cerevisiae

<400> 30  
ttttgggtaa cagcggaccg aag 23

<210> 31  
<211> 23  
<212> DNA  
<213> Saccharomyces Cerevisiae

<400> 31  
cccaggtttc cattcatccg agc 23

<210> 32  
<211> 23  
<212> DNA  
<213> Saccharomyces Cerevisiae

<400> 32  
gattggagta cccttatccg aag 23

<210> 33  
<211> 23  
<212> DNA  
<213> Saccharomyces Cerevisiae

<400> 33  
cggcggttgg caatcgccg tat 23